



ANÁLISE COMPARATIVA DOS FATORES DE VIRULÊNCIA DOS ISOLADOS CLÍNICOS E AMBIENTAIS DE *PSEUDOMONAS AERUGINOSA*

Isabela Alves de Souza¹, Doroti de Oliveira Garcia², Laís Anversa³, Renata Katsuko Takayama Kobayashi³, Gerson Nakazato³, Erika Kushikawa Saeki¹

¹Instituto Adolfo Lutz, Presidente Prudente, SP. ²Instituto Adolfo Lutz, Marília, SP. ³Instituto Adolfo Lutz, Bauru, SP.

³Universidade Estadual de Londrina – UEL, Londrina, PR. e-mail: erika.saeki@ial.sp.gov.br

RESUMO

Pseudomonas aeruginosa possui grande importância para a saúde pública por estar presente no ambiente e nas infecções clínicas. O objetivo deste trabalho foi avaliar fenotipicamente os fatores de virulência motilidade, protease e ramnolipídeos em isolados clínicos e ambientais de *P. aeruginosa*. Vinte e cinco isolados clínicos e dez isolados ambientais foram analisados através de ensaios fenotípicos e categorizados em cepas não móveis, fracamente, moderadamente e altamente móveis; e produtores ou não de protease e ramnolipídeos. Em todos os ensaios, os isolados foram testados em triplicata em três dias diferentes. Os isolados ambientais produziram fatores de virulência como a motilidade (*Swimming* e *Twitching*) e Ramnolipídeos significativamente maior que os isolados clínicos. Este estudo nos alerta para o elevado nível de patogenicidade das cepas de *P. aeruginosa*, principalmente ambientais. A melhor compreensão da motilidade e produção de ramnolipídeos, fatores que estão diretamente associados à formação de biofilmes, pode favorecer estudos complementares às pesquisas visando o controle de bactérias patogênicas.

Palavras-chave: fatores de virulência, fibrose cística, infecções por *Pseudomonas*, patogenicidade.

COMPARATIVE ANALYSIS OF THE VIRULENCE FACTORS IN *PSEUDOMONAS AERUGINOSA* STRAINS ISOLATED FROM CLINICAL AND ENVIRONMENTAL

ABSTRACT

Pseudomonas aeruginosa is a very important bacteria for public health because it is present in the environment and clinical infections. The aim of this study was to evaluate the virulence factors such as motility, protease and rhamnolipids in clinical and environmental *P. aeruginosa* isolates. Twenty-five clinical isolates and ten environmental isolates were analyzed by phenotypic assays and categorized into non-mobile, weakly, moderately and highly mobile strains; and producers of protease and rhamnolipids. The isolates were tested in triplicate on three different days. Environmental isolates produced virulence factors such as motility (*Swimming* and *Twitching*), and Rhamnolipids significantly higher than clinical isolates. This study alerts us to the high level of pathogenicity of *P. aeruginosa* strains, mainly environmental strains. For a better understanding of motility and rhamnolipids, virulence factors that are directly associated with the biofilms formation, may favor studies that complement the research aimed at the control of pathogenic bacteria.

Keywords: virulence factors, cystic fibrosis, *Pseudomonas* infections, pathogenicity.

INTRODUÇÃO

A bactéria *Pseudomonas aeruginosa* é um bastonete Gram-negativo, aeróbio, porém capaz de sobreviver e se multiplicar lentamente em ambientes anaeróbios em determinadas situações¹. Apresenta motilidade pela presença

de um ou mais flagelos e, pode ser encontrado isolado ou em grupo^{2,3}. Encontra-se amplamente distribuído, sendo um patógeno oportunista de fungos, helmintos, plantas, animais e humanos, com preferência por ambientes úmidos. Possui elevada resistência a antimicrobianos, grande

diversidade genética e capacidade de formar biofilmes⁴⁻⁷.

Esta bactéria está frequentemente associada a infecções em pacientes imunocomprometidos, queimados, com fibrose cística, infecções gastrointestinais, do trato urinário e otites; mas também pode ser isolado em indivíduos saudáveis^{1,8}.

P. aeruginosa tem representatividade em média de 75% de isolados de amostras clínicas⁹. Apesar de ser um agente de contaminação comumente encontrado em ambientes hospitalares, sua presença em ambientes aquáticos também é preocupante¹⁰, devido à sua capacidade de formação de biofilmes.

No Brasil, esta bactéria pode ser considerada uma boa indicadora de contaminação de águas de abastecimento^{2,10}. Frequentemente isolada em águas superficiais como lagos e rios, possui preferência por águas residuárias devido à alta carga de nutrientes, porém pode sobreviver e se proliferar em ambientes com quantidades mínimas de nutrientes, como em água mineral^{1,2}. Muitos estudos atribuem um papel importante da água a colonização em humanos por *P. aeruginosa*, principalmente quando associada à presença de bactérias contendo múltiplos fatores de virulência¹⁰.

Há uma intensa variabilidade de fatores de virulência em *P. aeruginosa*, oscilando de moderadamente a altamente virulentos, sendo seu potencial patogênico multifatorial, dependente da cepa, sítio de infecção, tanto em infecções adquiridas na comunidade como nas adquiridas em ambiente hospitalar^{3,9}. Foi constatado que *P. aeruginosa* é capaz de acumular diferentes fatores de resistência e virulência, além de formar rotas de disseminação de genes relativos aos mesmos, dificultando o tratamento de infecções^{6,10}.

Entre os fatores de virulência fundamentais para promover a patogenicidade da bactéria, destacam-se a motilidade, protease e ramnolipídeos^{3-6,9-12}. A motilidade é dependente dos flagelos ou pili tipo IV, sendo importante para a proliferação bacteriana. As formas de movimentação mais comuns são *Swarming*, *Swimming* e *Twitching*^{5,12}. A protease alcalina é secretada para auxiliar o patógeno durante a infecção^{3-6,9} e os ramnolipídeos estão envolvidos com o desenvolvimento de biofilmes, atividade antibacteriana e antifúngica e inibição da resposta fagocitária¹¹.

Pseudomonas aeruginosa possui grande importância para a saúde pública, sendo classificada como prioridade 1 (crítico) dentre as três prioridades listadas pela Organização Mundial de Saúde na pesquisa de novos antimicrobianos¹³. Contudo, trabalhos que correlacionem os fatores de virulência em isolados clínicos e ambientais ainda são raros. Assim, é observada a necessidade de conhecer o potencial patogênico dos isolados de *P. aeruginosa* tanto em áreas de assistência à saúde como no meio ambiente a fim de realizar uma comparação e formular mecanismos efetivos de vigilância e combate a sua disseminação.

O objetivo deste trabalho foi avaliar fenotipicamente os fatores de virulência como a motilidade, protease e ramnolipídeos em isolados clínicos e ambientais de *Pseudomonas aeruginosa* e comparar estatisticamente a prevalência dos fatores de virulência estudados por fonte de isolamento: clínica ou ambiental.

METODOLOGIA

Foram analisados vinte e cinco isolados clínicos oriundos de pacientes com fibrose cística e dez isolados ambientais de *Pseudomonas aeruginosa* obtidos de água de abastecimento público, provenientes do Núcleo de Coleção de Culturas do Instituto Adolfo Lutz e Centro de Laboratório Regional Instituto Adolfo Lutz de Bauru, respectivamente.

O estudo foi realizado nos Laboratórios de Microbiologia Alimentar e Bacteriologia do Centro de Laboratório Regional Instituto Adolfo Lutz de Presidente Prudente (SP) entre julho e novembro de 2018.

Este trabalho possui aprovação pelo Comitê Técnico Científico do Instituto Adolfo Lutz (CTC 31-J/2017).

Método em placa - motilidade *Swarming*

Os isolados testados foram inoculados em Caldo Luria Bertani (LB) e incubados a 37°C por 24 h. Em seguida, inoculou-se 10 µL de suspensão de *P. aeruginosa* no centro do Agar *Swarming* (glicose 1%, peptona 0,5%, extrato de levedura 0,2% e ágar 0,5%), previamente mantidos em temperatura ambiente. A zona de motilidade foi medida após incubação a 30°C por 24 h. O ensaio de motilidade foi realizado em triplicata em dias diferentes. As médias foram calculadas conforme Abdouchakour et al.¹⁴ e classificadas em: não móvel ou fracamente

móveis: $d < 20\text{mm}$; moderadamente móveis: $20\text{mm} \leq d < 40\text{mm}$; e altamente móveis: $d \geq 40\text{mm}$.

Método em placa - motilidade *Swimming*

Os isolados foram semeados em Agar LB e incubados a 37°C por 24 h. Foram inoculados em superfície do Agar Swimming (triptona 1%, cloreto de sódio 0,5%, ágar 0,3%), previamente mantidos em temperatura ambiente. A área de motilidade foi medida após incubação a 30°C durante 24 h. O ensaio de motilidade foi realizado em triplicata em dias diferentes. As médias foram calculadas para a categorização conforme Abdouchakour et al.¹⁴ em: não móvel ou fracamente móveis $d < 20\text{mm}$, moderadamente móveis: $20\text{mm} \leq d < 40\text{mm}$; e altamente móveis: $d \geq 40\text{mm}$.

Método em placa – motilidade *Twitching*

Os isolados foram semeados em Agar LB e incubados a 37°C por 24 h. Uma colônia de cada cepa foi perfurada em Agar Twitching (triptona 1%, extrato de levedura 0,5%, cloreto de sódio 1% e ágar 1%) até o fundo da placa e incubada a 37°C por 24 h. Posteriormente, o Agar foi cuidadosamente removido e a zona de motilidade foi medida em milímetros após coloração com violeta de cristal 2% por 2 h. O ensaio de motilidade foi realizado em triplicata em dias diferentes. As médias foram calculadas para a categorização conforme Wolska e Kot¹⁵ em: não móveis: $d < 7\text{mm}$; fracamente móveis: d 7-15mm; moderadamente móveis: d 15-25mm; e altamente móveis: $d > 25\text{mm}$.

Método em placa - protease alcalina

Os isolados foram inoculados em Caldo LB e incubados a 37°C por 24 h. A atividade proteolítica foi confirmada pela formação de uma zona clara em torno do inóculo ($10 \mu\text{L}$ em poço) em Agar Leite (leite em pó 1%, peptona 0,1%, cloreto de sódio 0,5%, ágar 2%) e quantificada através do diâmetro do halo após incubação a 37°C por 24 h.

Método em placa – ramnolipídeos

Inoculou-se a bactéria a ser testada em Caldo LB e incubou-se a 37°C por 24 h. A partir do

crescimento de *P. aeruginosa* foi inoculado $10 \mu\text{L}$ em poço na placa com Agar CTAB modificado, de acordo com Siegmund e Wagner¹⁶, e incubado a 37°C por 48 h. A produção de ramnolipídios foi confirmada pela formação de um halo de coloração azul ao redor da colônia e o diâmetro do halo foi mensurado.

Análise dos dados

As variáveis foram comparadas utilizando o teste T Student (dados com distribuição normal) ou teste de Mann-Whitney (dados com distribuição não normal). O valor de $p < 0,05$ foi considerado estatisticamente significativo. O Software R (3.4.2) foi utilizado para representações gráficas e análise estatística.

RESULTADOS

Neste estudo foram analisados cinco fatores de virulência em *P. aeruginosa*: três de superfície (motilidades *Swarming*, *Swimming* e *Twitching*) e dois exoprodutos (Protease alcalina e Ramnolipídeos) em isolados clínicos e ambientais.

Os resultados da motilidade foram interpretados usando medidas de diâmetro em milímetros (Figura 1), seguida de categorização (Tabela 1), mostrando diversidade no comportamento de motilidade entre os grupos clínico e ambiental.

Conforme a Tabela 1, a motilidade *Swarming* dos isolados clínicos variou de 8 mm a 75 mm, com média de 17 ± 18 mm. Quatro cepas foram classificadas como moderadamente móveis (4/25; 16%) e duas como altamente móveis (2/25; 8%). Entretanto, como a maior parte dos isolados apresentaram deslocamento menor que 20 mm na placa de Petri e foram consideradas não móveis (19/25; 76%) (Tabela 2). As cepas ambientais variaram de 9 a 62 mm e média de 17 ± 16 mm (Tabela 1). Uma cepa foi classificada como altamente móvel (1/10; 10%), e o restante não móvel (9/10; 90%) (Tabela 3). Não houve diferença estatística significativa na motilidade *Swarming* entre os isolados clínicos e ambientais ($p = 0,14$) (Figura 2).

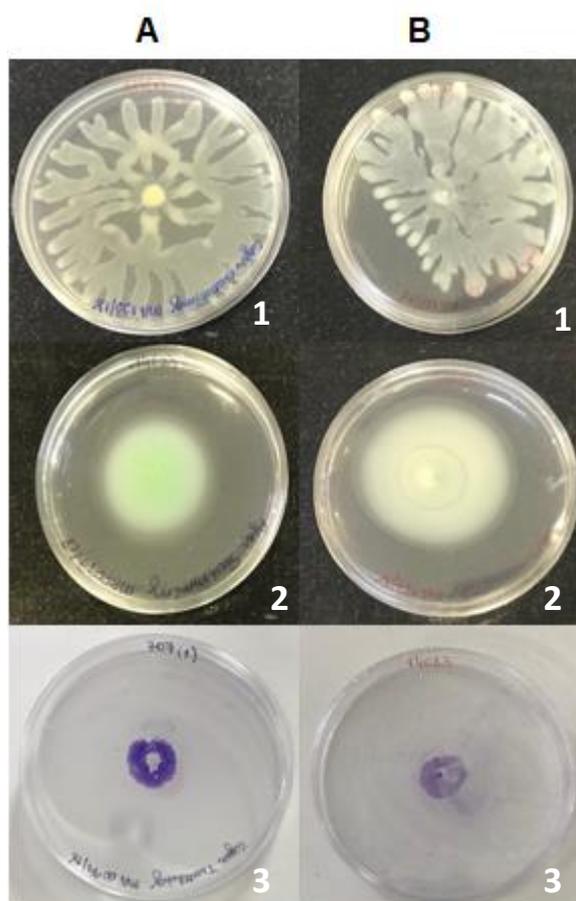


Figura 1. Ensaio fenotípico da motilidade. A1 – *Swarming* em isolado clínico, B1 – *Swarming* em isolado ambiental, A2 – *Swimming* em isolado clínico, B2 – *Swimming* em isolado ambiental, A3 – *Twitching* em isolado clínico, B3 – *Twitching* em isolado ambiental.

Tabela 1. Características dos isolados clínicos e ambientais de *P. aeruginosa* estudados: média e desvio padrão ($\bar{x} \pm DP$) e classificação das atividades (mm) *Swarming*, *Swimming*, *Twitching*, Protease e Ramnolipídeos.

Identificação	Origem	<i>Swarming</i>	C ¹	<i>Swimming</i>	C ²	<i>Twitching</i>	C ³	Protease	Ramnolipídeos
		$\bar{x} \pm DP$		$\bar{x} \pm DP$		$\bar{x} \pm DP$		$\bar{x} \pm DP$	
IAL 6594	Clínica	9 ± 2	NM	10 ± 2	NM	8 ± 2	FM	19 ± 2	9 ± 1
IAL 6665	Clínica	9 ± 1	NM	17 ± 2	NM	9 ± 1	FM	12 ± 5	8 ± 1
IAL 6590	Clínica	12 ± 2	NM	23 ± 3	MM	11 ± 2	FM	18 ± 2	11 ± 1
IAL 6589	Clínica	11 ± 1	NM	14 ± 2	NM	10 ± 1	FM	22 ± 1	11 ± 1
IAL 6592	Clínica	9 ± 1	NM	10 ± 1	NM	3 ± 2	NM	15 ± 1	0
IAL 6591	Clínica	11 ± 2	NM	0	NM	6 ± 1	NM	0	0
IAL 6574	Clínica	8 ± 1	NM	17 ± 3	NM	7 ± 2	FM	0	0
IAL 6584	Clínica	9 ± 1	NM	11 ± 3	NM	9 ± 2	FM	21 ± 4	0
IAL 6598	Clínica	10 ± 2	NM	10 ± 1	NM	10 ± 1	FM	10 ± 1	0
IAL 6600	Clínica	9 ± 1	NM	0	NM	7 ± 1	FM	11 ± 1	0
IAL 6601	Clínica	10 ± 2	NM	0	NM	13 ± 2	FM	19 ± 2	0
IAL 6577	Clínica	12 ± 3	NM	20 ± 3	MM	8 ± 1	FM	18 ± 2	14 ± 2
IAL 6688	Clínica	13 ± 2	NM	27 ± 1	MM	18 ± 1	MM	21 ± 2	12 ± 1
IAL 6582	Clínica	21 ± 3	MM	36 ± 2	MM	13 ± 1	FM	21 ± 2	14 ± 1
IAL 6596	Clínica	21 ± 3	MM	44 ± 3	AM	18 ± 1	MM	31 ± 3	16 ± 1
IAL 6603	Clínica	9 ± 1	NM	13 ± 2	NM	8 ± 1	FM	9 ± 2	0
IAL 6575	Clínica	8	NM	0	NM	10 ± 1	FM	18 ± 2	12 ± 1
IAL 6576	Clínica	9 ± 1	NM	39 ± 4	MM	5 ± 2	NM	15 ± 1	8 ± 2

IAL 6587	Clínica	74 ± 7	AM	26 ± 6	MM	7 ± 2	FM	23 ± 3	15 ± 1
IAL 6580	Clínica	75 ± 5	AM	29 ± 4	MM	6 ± 2	NM	21 ± 2	15 ± 1
IAL 6573	Clínica	11 ± 3	NM	43 ± 2	AM	6 ± 1	NM	21 ± 1	15 ± 1
IAL 6581	Clínica	29 ± 2	MM	25 ± 3	MM	6 ± 1	NM	21 ± 1	16 ± 1
762 (1)	Clínica	8 ± 1	NM	32 ± 3	MM	5 ± 1	NM	0	0
IAL 6578	Clínica	22 ± 4	MM	48 ± 2	AM	6 ± 1	NM	21 ± 1	15 ± 1
IAL 6579	Clínica	11 ± 2	NM	30 ± 3	MM	13 ± 1	FM	20 ± 1	13 ± 1
04023	Ambiental	14 ± 3	NM	45 ± 2	AM	15 ± 1	FM	18 ± 2	15 ± 1
14048	Ambiental	11 ± 2	NM	40 ± 2	AM	14 ± 2	FM	22 ± 2	16
14083	Ambiental	12 ± 2	NM	45 ± 3	AM	17 ± 2	MM	22 ± 1	14 ± 2
04015	Ambiental	62 ± 4	AM	52 ± 3	AM	10 ± 1	FM	16 ± 3	14 ± 1
04021	Ambiental	9	NM	44 ± 4	AM	14 ± 1	FM	12 ± 1	15 ± 1
35010	Ambiental	14 ± 1	NM	22 ± 3	MM	13 ± 1	FM	18 ± 1	0
04064	Ambiental	12 ± 4	NM	44 ± 3	AM	16 ± 1	MM	19 ± 3	17 ± 1
04024	Ambiental	11 ± 1	NM	36 ± 2	MM	15 ± 1	FM	14 ± 2	15 ± 1
14063	Ambiental	13 ± 2	NM	25 ± 2	MM	10 ± 1	FM	13 ± 1	12 ± 2
04010	Ambiental	12 ± 2	NM	46 ± 2	AM	17 ± 1	MM	18 ± 1	15 ± 2

C¹: Classificação; NM: não móvel/fracamente móvel; MM: moderadamente móvel; AM: altamente móvel.

C²: Classificação; NM: não móvel/fracamente móvel; MM: moderadamente móvel; AM: altamente móvel.

C³: Classificação; NM: não móvel; FM: fracamente móvel; MM: moderadamente móvel; AM: altamente móvel.

Tabela 2. Porcentagem (%) das atividades (mm) das motilidades *Swarming*, *Swimming* e *Twitching* em isolados clínicos.

Tipo de motilidade	Classificação			
	não móvel	fracamente	moderado	muito móvel
<i>Swarming</i>	19 (76%)	-	4 (16%)	2 (8%)
<i>Swimming</i>	12 (48%)	-	10 (40%)	3 (12%)
<i>Twitching</i>	8 (32%)	15 (60%)	2 (8%)	0

Tabela 3. Porcentagem (%) das atividades (mm) das motilidades *Swarming*, *Swimming* e *Twitching* em isolados ambientais.

Tipo de motilidade	Classificação			
	não móvel	fracamente	moderado	muito móvel
<i>Swarming</i>	9 (90%)	-	0	1 (10%)
<i>Swimming</i>	0	-	3 (30%)	7 (70%)
<i>Twitching</i>	0	8 (80%)	2 (20%)	0

A maior parte dos isolados clínicos apresentou-se não móvel/fracamente móvel para motilidade *Swimming* (12/25; 48%) (Tabela 2). Nos isolados ambientais, todos apresentaram motilidade *Swimming* de 22 a 52 mm com média de 40±10 mm, a maioria classificada como altamente móvel (7/10; 70%), o restante (3/10; 30%) moderadamente móvel (Tabela 3). Houve diferença estatística significativa quanto à motilidade *Swimming* nos dois grupos estudados ($p < 0,05$) (Figura 2).

A atividade da motilidade *Twitching* dos 25 isolados clínicos de *P. aeruginosa* variou de 3 a 18 mm com média de 9±4 mm (Tabela 1). A maior parte das cepas clínicas apresentou-se fracamente móvel (15/25; 60%) (Tabela 2). Os 10 isolados ambientais variaram de 10 a 17 mm e média de 14±2 mm, onde a maior parte das cepas ambientais também se apresentou fracamente móvel (8/10; 80%) (Tabela 3). De acordo com a Figura 2, os isolados ambientais produziram significativamente maior motilidade *Twitching* do que os isolados clínicos ($p < 0,05$).

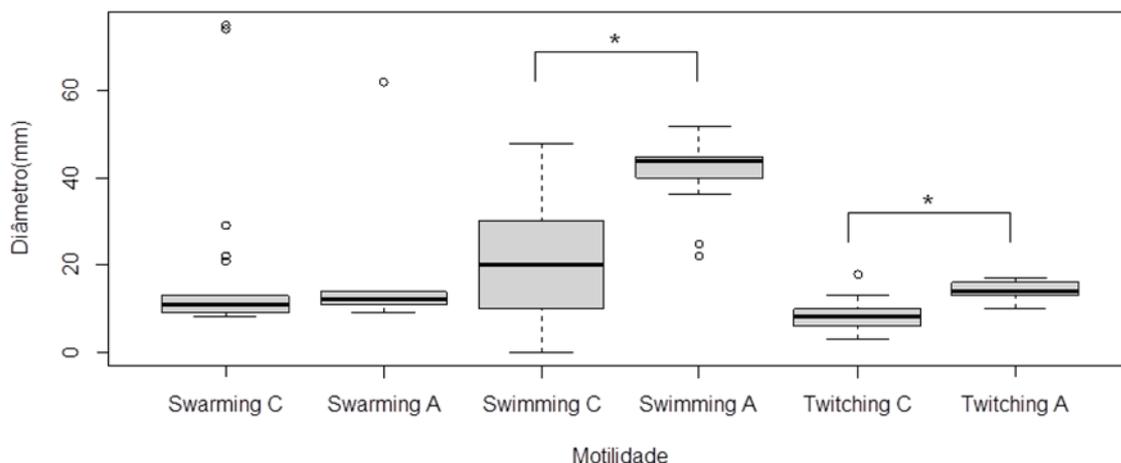


Figura 2. Gráfico Boxplot dos resultados de motilidade *Swarming*, *Swimming* e *Twitching* dos isolados clínicos e ambientais. As diferenças significativas estão indicadas com * ($p < 0,05$). C: isolados clínicos; A: isolados ambientais.

Neste estudo, 12% (3/25) das cepas clínicas e 10% (1/10) das cepas ambientais apresentaram as duas motilidades *Twitching* e *Swarming*.

Quanto à produção de protease alcalina, houve produção em 22 dos 25 isolados clínicos avaliados (88%), obtendo média de 16 ± 8 mm (Tabela 1). Entre os isolados ambientais houve síntese de protease alcalina em todos os isolados analisados, apresentando média de 17 ± 3 mm. Não houve diferença estatística significativa na

atividade proteolítica comparando-se os isolados clínicos e ambientais ($p = 0,84$) (Figura 3).

A respeito dos ramnolipídeos, houve síntese em 16 dos 25 isolados clínicos avaliados (64%), apresentando média de 8 ± 7 mm (Tabela 1). Entre as cepas ambientais, 9 das 10 pesquisadas produziram ramnolipídeos (90%) e média de 13 ± 5 mm. Houve diferença estatística significativa na síntese de ramnolipídeos nos dois grupos estudados ($p < 0,05$) (Figura 3).

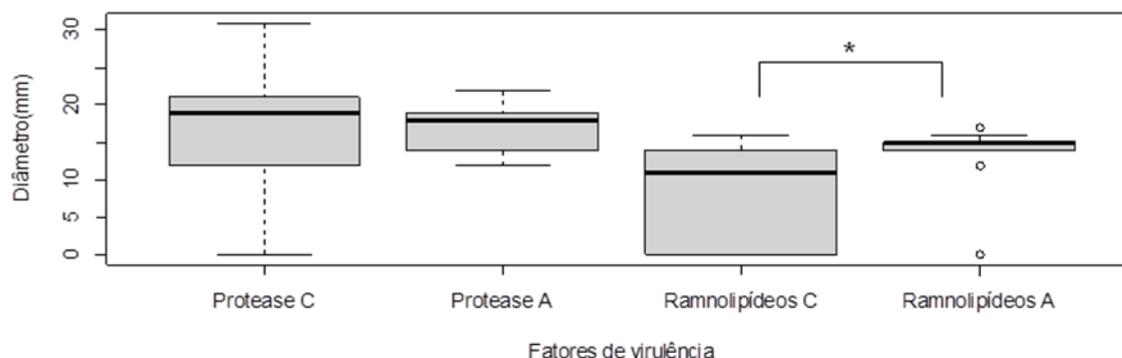


Figura 3. Gráfico Boxplot dos resultados de Protease e Ramnolipídeos dos isolados clínicos e ambientais. As diferenças significativas estão indicadas com * ($p < 0,05$). C: isolados clínicos; A: isolados ambientais.

DISCUSSÃO

Encontra-se bem documentado a importância da bactéria *Pseudomonas aeruginosa* para a saúde pública, por sua capacidade infecciosa, colonização de diversas superfícies bióticas e abióticas e crescente resistência antimicrobiana, tornando-se essencial entender sua patogênese. Alguns estudos têm associado os isolados obtidos do ambiente, principalmente de água encanada, com cepas infecciosas^{10,14,17-18}.

Grande parte das cepas de *P. aeruginosa* produzem fatores de virulência que atuam na superfície (que permite fixação bacteriana, colonização e invasão) associada a outros fatores de virulência como hemolisina, elastase, protease. A combinação destes fatores é determinante para o estabelecimento de uma infecção¹⁹.

Entre os tipos de motilidade bacteriana, Macin et al.²⁰ observaram que a motilidade *Swarming* de isolados de *P. aeruginosa* obtidos de pacientes com fibrose cística foi de 84%, um resultado menor do que a detectada em pacientes sem a doença (97%), com indicação que a pressão contínua e seletiva no ambiente pode levar a algumas mudanças fenotípicas nas bactérias para ajudar a sua adaptação ao hospedeiro, não necessariamente permanentemente ligado as suas estruturas móveis (flagelo e pili tipo IV).

Entre as cepas ambientais, a ausência de motilidade *Swarming* também foi predominante, entretanto outros estudos encontraram a maioria dos isolados ambientais com motilidade *Swarming* moderada ou alta, variando de 25 a 80 mm^{14,18}.

Os dois grupos, clínico e ambiental, demonstraram habilidades semelhantes para exibir a motilidade *Swarming*, que é mediada pelos flagelos em colaboração com os pili do tipo IV. Apesar de a motilidade ser necessária no desenvolvimento do biofilme, isolados que exibem pouca ou nenhuma motilidade *Swarming* são mais propensos a terem sucesso em sua formação, pois se fixam mais eficientemente em sua estrutura que compõe o biofilme¹¹.

Quanto à motilidade *Swimming*, os isolados ambientais deste estudo se destacaram, pois apresentaram diâmetros maiores que isolados ambientais encontrados em outros autores^{10,14}.

Para motilidade *Twitching*, houve divergência de nosso estudo com outros

publicados, tanto entre as cepas clínicas como nas ambientais, os dois grupos demonstrando moderada e alta atividade na literatura¹⁰.

A fraca motilidade dos isolados clínicos pode ser explicada pela correlação entre a atividade da motilidade *Twitching*, a formação de biofilmes e a fonte de isolamento das cepas¹⁵, já que cepas não móveis, como as de pacientes com fibrose cística, são dificilmente fagocitadas, despistando o sistema imune. Apesar de esta estratégia afetar a capacidade em causar infecções, favorece a persistência no hospedeiro²⁰.

É estabelecido que cada um dos três sistemas de motilidade funciona de forma independente e parece não estar relacionado com outros caracteres bacterianos, apesar de ser importante ressaltar que a motilidade *Swarming* não depende exclusivamente do pili IV, mas também do flagelo^{14,18}.

A alta motilidade *Twitching*, por exemplo, leva à redução da formação de biofilme por *P. aeruginosa*, enquanto a motilidade *Swarming* é necessária para o desenvolvimento de suas estruturas, mas dispensável em sua permanência no hospedeiro. Isto é, a bactéria adapta sua atividade móvel conforme a sua necessidade no hospedeiro, seja para estabelecer a infecção, formar biofilme ou garantir sua permanência no organismo, independentemente de sua origem, clínica ou ambiental, o que pode explicar a falta de diferenças significativas em algumas características adaptativas, como formação de biofilme, motilidade e resistência^{14,21}.

Quanto à protease alcalina, assim como neste estudo, outros estudos apresenta atividade proteolítica nos isolados clínicos e ambientais^{9,20,22}. A protease alcalina exerce um papel importante na virulência durante a colonização, contribuindo para o desmoronamento das barreiras físicas do hospedeiro e aumentando a proliferação bacteriana, fornecendo aminoácidos e peptídeos das proteínas teciduais às bactérias. Em estágios mais avançados, pode interferir com o mecanismo de defesa imune por degradar imunoglobulinas²³.

A atuação de surfactantes, como os ramnolipídeos, é relatada como agente indutor de expansão da motilidade *Swarming*²⁴. No presente estudo esta relação foi concordante nos isolados clínicos, já que as cepas que não produzem ramnolipídeos apresentaram

motilidade *Swarming* sem atividade. Os isolados ambientais apresentaram fenótipos de *Swarming* e ramnolipídeos diversos, sem associação considerável entre si.

Os ramnolipídeos estão envolvidos na formação de biofilmes. Eles são responsáveis por induzirem a liberação de lipopolissacarídeos, aumentando a hidrofobicidade da superfície celular, sendo um regulador ambiental quando ocorrem mudanças nas condições nutricionais e favorecem a adesão primária de células planctônicas. Funciona também como um “escudo” contra células polimorfonucleadas, contribuindo para a fixação da bactéria no hospedeiro¹¹.

P. aeruginosa possui preferência por ambientes úmidos, portanto deve-se dar atenção especial à pias, banheiras e chuveiros⁷. Sua ocorrência em águas de abastecimento indica deficiência no controle da rede de distribuição de água e pode ser indicativo de disseminação de microrganismos de origem nosocomial no ambiente aquático²⁵, ocasionando em fonte possível de infecção por *P. aeruginosa*, principalmente em ambientes onde circulam pessoas imunocomprometidas, como hospitais¹⁵.

Conclui-se que as análises fenotípicas realizadas revelaram grande variabilidade dos fatores de virulência entre os isolados estudados, o que nos alerta para o elevado nível de patogenicidade das cepas, principalmente as ambientais.

Os isolados presentes no ambiente, como em águas de abastecimento público, pode oferecer risco patogênico, principalmente para os imunocomprometidos, já que apresentaram fatores de virulência importantes como motilidade (*Swimming* e *Twitching*) e ramnolipídeos com resultados muitas vezes maiores que os isolados clínicos. A produção exacerbada destes fenótipos representa um potencial de colonização e infecção no hospedeiro, garantindo a rápida disseminação e capacidade inflamatória.

Por isso, o estudo da produção de protease, ramnolipídeos e motilidade em *Pseudomonas aeruginosa* é de extrema importância para a compreensão dos fatores de virulência e seus mecanismos envolvidos em sua patogenicidade. Os tipos de motilidades identificados, fatores que estão diretamente associados à formação de biofilmes podem ser responsáveis por estudos complementares às

pesquisas visando o controle de bactérias patogênicas.

AGRADECIMENTOS

As pesquisadoras Dra. Doroti de Oliveira Garcia do Centro de Laboratório Regional (CLR) Instituto Adolfo Lutz de Marília e a Me. Laís Anversa do CLR Instituto Adolfo Lutz de Bauru por terem gentilmente cedido os isolados utilizados neste trabalho e a todos os profissionais do Laboratório do Núcleo de Ciências Químicas e Bromatológicas do CLR Instituto Adolfo Lutz de Presidente Prudente pelo apoio e auxílio na execução do mesmo.

CONFLITO DE INTERESSES

As autoras declaram não haver qualquer potencial conflito de interesse que possa interferir na imparcialidade deste trabalho científico.

REFERÊNCIAS

1. Arruda KLS. Resistência das *Pseudomonas* à Ciprofloxacina e sua relação com a saúde ambiental. [Monografia] Florianópolis: Universidade Federal de Santa Catarina, 2013.
2. Dos Santos G, Colombo TE. Prevalência de *Pseudomonas aeruginosa* em águas e superfície. J Health Sci Instit. 2015;33(4):314-8.
3. Tana FL. Avaliação da expressão e do papel dos microRNAs mmu-miR-155-5p e mmu-miR-146b-5p durante a infecção pulmonar causada pela bactéria *Pseudomonas aeruginosa*. [Dissertação] Alfenas: Universidade Federal de Alfenas, 2017.
4. Brooks GF, Carroll KC, Butel JS, Morse SA, Mietzner TA. Microbiologia Médica de Jawetz, Melnick & Adelberg. 26.ed. Porto Alegre: AMGH; 2014.
5. Burrows LL. *Pseudomonas aeruginosa* twitching motility: type IV pili in action. Ann Rev Microbiol. 2012;66:493-520. DOI: <https://dx.doi.org/10.1146/annurev-micro-092611-150055>
6. Jácome PRLA, Alves LR, Cabral AB, Lopes ACS, Maciel MAV. Phenotypic and molecular characterization of antimicrobial resistance and virulence factors in *Pseudomonas aeruginosa* clinical isolates from Recife, state of Pernambuco, Brazil. Rev Soc Bras Med Trop. 2012;45(6):707-

12. DOI: <https://dx.doi.org/10.1590/S0037-86822012000600010>
7. Bernardi PM. Avaliação por microdiálise da penetração pulmonar da Tobramicina em modelo de pneumonia por microrganismo formador de biofilme. [Dissertação] Porto Alegre: Universidade Federal do Rio Grande do Sul, 2016.
8. Pariguana REC, Montoya RC. Bacteriocinas producidas por *Pseudomonas aeruginosa* y su acción inhibitoria frente a *Helicobacter pylori*. [Monografia] Cusco: Universidad Nacional de San Antonio Abad Del Cusco, 2012.
9. Silva ST. Análise fenotípica e genética de fatores de virulência de isolados clínicos de *Pseudomonas aeruginosa* multidroga-sensível e multidroga-resistente de Recife – PE. [Dissertação] Recife: Universidade Federal de Pernambuco, 2016.
10. Magalhães MJTL. Caracterização fenotípica e similaridade genética de *Pseudomonas aeruginosa* provenientes de efluentes hospitalares e água superficial do igarapé do Mindu/Manaus – AM. [Dissertação] Manaus: Universidade Federal do Amazonas, 2013.
11. Abdel-Mawgoud AM, Lépine F, Déziel E. Rhamnolipids: diversity of structures, microbial origins and roles. *Appl microbiol Biotechnol*. 2010;86(5):1323-36. DOI: <https://dx.doi.org/10.1007/s00253-010-2498-2>
12. Al-Haidari RA, Shaaban MI, Ibrahim SRM, Mohamed GA. Anti-quorum sensing activity of some medicinal plants. *African J Traditional, Complem Altern Med*. 2016;13(5):67-71. DOI: <https://dx.doi.org/10.21010/ajtcam.v13i5.10>
13. World Health Organization. Global priority list of antibiotic-resistant bacteria to guide research, discovery, and development of new antibiotics. Geneva: World Health Organization, 2017.
14. Abdouchakour F, Aujoulat F, Licznar-Fajardo P, Marchandin H, Toubiana M, Parer S et al. Intraclonal variations of resistance and phenotype in *Pseudomonas aeruginosa* epidemic high-risk clone ST308: A key to success within a hospital? *Int J Med Microbiol*. 2018;308(2):279-89. DOI: <https://dx.doi.org/10.1016/j.ijmm.2017.11.008>
15. Wolska K, Kot B. Twitching motility activity, biofilm formation, and genetic typing for clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa* by random amplified DNA PCR. *Acta Microbiol immunol Hungarica*. 2013;60(3):313-28. DOI: <https://dx.doi.org/10.1556/AMicr.60.2013.3.7>
16. Siegmund I, Wagner F. New method for detecting rhamnolipids excreted by *Pseudomonas* species during growth on mineral agar. *Biotechnol Lett*. 1991;5(4):265-8.
17. Chaves MA. Perfil de suscetibilidade em bastonetes gram negativos não fermentadores isolados de amostra de água superficial submetida a tratamento com antimicrobiano. [Dissertação] Porto Alegre: Universidade Federal do Rio Grande do Sul, 2017.
18. Otton LM, Silva Campos M, Meneghetti KL, Corção G. Influence of twitching and swarming motilities on biofilm formation in *Pseudomonas* strains. *Arch Microbiol*. 2017;199(5):677-82. DOI: <https://dx.doi.org/10.1007/s00203-017-1344-7>
19. Santos SO. Estudo de isolados clínicos de *Pseudomonas aeruginosa* e *Acinetobacter* spp. multiresistentes do Hospital Universitário de Santa Maria. [Dissertação] Santa Maria: Universidade Federal de Santa Maria, 2014.
20. Macin S, Akarca M, Sener B, Akyon Y. Comparison of virulence factors and antibiotic resistance of *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from patients with and without cystic fibrosis. *Rev Romana Med Laborator*. 2017;25(4):327-34. DOI: <https://dx.doi.org/10.1515/rrlm-2017-0027>
21. Wu H, Lee B, Yang L, Wang H, Givskov M, Molin S et al. Effects of ginseng on *Pseudomonas aeruginosa* motility and biofilm formation. *FEMS Immunol Med Microbiol*. 2011;62(1):49-56. DOI: <https://dx.doi.org/10.1111/j.1574-695X.2011.00787>
22. Ciragil P, Soyletir G. Alginate, elastase and alkaline protease production of *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from various body sites. *Mikrobiyoloji Bulteni*. 2004;38(4):341-7.
23. Stehling EG. Estudo comparativo dos fatores de virulência de *Pseudomonas aeruginosa* isoladas de fibrose cística e outras infecções.

[Dissertação] Campinas: Universidade Estadual de Campinas, 1999.

24. Kearns DB. A field guide to bacterial swarming motility. *Nature Rev Microbiol.* 2010;8(9):634. DOI: <https://dx.doi.org/10.1038/nrmicro2405>

25. Peresi JTM, Almeida IAZC, Teixeira ISC, Silva SIL, Alves EC, Marques DF et al. *Pseudomonas aeruginosa*: ocorrência e suscetibilidade aos agentes antimicrobianos de isolados de amostras de água tratada utilizada em solução de diálise. *Rev Inst Adolfo Lutz.* 2011;70(4):542-7.